в	Y		т	н	Е		т	1	м	Е		Y	0	U		н	A	v	E	-	R	ΕA	D		т	н	1	s		н	1	v	-	1	1	N		L		ни	4 V	E		м	U	т	A 1	E	D	
					н																																													
					н					E								v				EA							,			v								ни										
					H					E												EA																		H										•
B	Y	E	Т	H	н		Т	1	M	E		Y	0	U	Y	Н	A	V	E	1	R	E	D		Т	н	V	S	•	Н	S	0	-	1	1	N	(L	L		H	AV	E		Μ	U	Т	AI	A	D	•
В	Y	E	т	H	Н		т	L	Μ	E		Y	0	U	Y	H	A		E	I	R	E	D		Т	H	۷	S	•	H	S	0	-	L	۱	N	(L	L		H	۷	E		Μ	U	Т	AT	A	D	•
в	Y	E	Т	н	Н		Т	L	М	E		Y	0	U	Y	H	A		E		C	E	D	۷	T	H	۷	S		H	S	0	-	I.	T١	N	(L	L		H	۷	E		М	U	TH	1 1	A	D	
в	Y	E	т	н	н		т	L	м	E		Y	0	U	Y	н	A		E	1	C	E	D	۷	Т	H	۷	E		Н	S	0	-	I.	T١	N	(L	0		H	۷	E		м	U	TH	1 1	A	D	
в	Y	E	т	н	н		L	L	м	E		Y	0	U	Y	H	A		E		C	E	E	v	Т	н	v	E		Н	s	0		r	T١	N	(L	0	N	H	٧	E		м	U	TH	1 1	A	D	
т	Y	E	т	н	н		L	L	M	E	G	Y	0	U	Y	н	A		E	1	C	E	E	v	т	н	۷	E	•	Н	s	0		I	T١	N	(L	0	N	н	٧	т	E	М	U	TH	1 1	A	D	
т	Y	E	т	н	н		L	L	М	E	G	E	S	U	Y	н	A		F	1	C	E	E	V	т	H	۷	E		Н	S	0		S	TI	N	(L	0	N	H	٧	т	E	м	U	TH	1 1	A	D	
т	Y	E	т	н	н	A	L	L	M	E	G	E	S	U	Y	н	A		F	A	C	E	E	۷	T	Н	۷	E	•	Н	S	0		S	T١	N	(L	0	N	H	S	т	E	М	U	TH	1 1	A	D	•
т	Y	E		н	н	A	L	L	M	E	G	E	S	U	Y	н	U		F	A	C	E	E	V	Т	H	۷	E		Н	S	0		S	T١	N	(L	0	N	H	S	т	E	М		TH	1 1	A	D	
т	н	E		н	н	A	L	L	M	E	G	E	S	U	Y	н	U		F	A	C	E	E	V	0	H	۷	E	ł.	н	S	0		s	T١	N N	(L	0	N	H	S	т	E	М		Ał	11	A	D	•
т	н	E		н	н	A	L	L	M	E	G	E	S		Y	н	U		F	A	0	E	E	۷	0	H	۷	E	1	H	S	0		S	T١	N	(L	0	N	H	S	т	E	Ρ		Ał	1 1	A	D	
т	н	E		н	н	A	L	L	M	N	G	E	S		Y	н	U		F	A	C	E	E	۷	0	L	۷	E		Н	S	0		S	T١	N	(L	0	N	E	S	т	E	Ρ		Ał	1 1	A	D	
т	н	E		С	н	A	L	L	М	N	G	E	S		Y	н	U		F	A	0	E	E	۷	0	L	۷	E		Н	S	0		S	T	N	(L	0	N	E	S	т	E	Ρ		A ł	11	A	D	
т	н	E		С	н	A	L	L	E	N	G	E	S		Y	Н	U		F	A	C	E	E	۷	0	L	۷	E		н	S	0		S	T	A 1	(L	0	N	E	S	Т	E	P		AI	11	A	D	
т	н	E		С	н	A	L	L	E	N	G	E	S		Y	Н	U		F	A	C	E	E	۷	0	L	۷	E		Н	S	0		s	T	A 1	1	0	N	E	S	т	E	Ρ		A	11	A	D	
т	н	E		С	Η	A	L	L	E	N	G	E	S		Y	0	U		F	A	0	E	E	V	0	L	۷	E		Н	S	0		S	T .	A 1	1	0	N	E	S	Т	E	P		AI	łE	A	D	
т	H	E		С	н	A	L	L	E	N	G	E	S		Y	0	U		F	A	C	E	E	۷	0	L	۷	E			S	0		S	T .	A 1	(0	N	E	S	т	E	Ρ		Ał	4 8	A	D	

Rapidly mutating HIV-1 virus can continue to evade quantification with a single target viral load assay. The innovative dual target HIV-1 assay from Roche Molecular Diagnostics measures two unique regions of the HIV-1 genome, which are not subject to selective drug pressure. Therefore drug-induced mutations should not impact the assay's ability to detect and quantify the virus accurately. In turn, more accurate results drive better decisions for a positive impact on patients' lives.

Visit us at **www.dual-target.com** and ask for more information about the COBAS® AmpliPrep/ COBAS® TaqMan® HIV-1 Test, v2.0.

